

**D-13 肺癌におけるGAP遺伝子の解析**

産業医科大学第二外科<sup>1</sup>, Karolinska Institute<sup>2</sup>, Simmons cancer center, UT Southwestern Medical Center<sup>3</sup>  
 ○光富徹哉<sup>1</sup>, E. Friedman<sup>2</sup>, 小山倫浩<sup>1</sup>, 大崎敏弘<sup>1</sup>, 中西良一<sup>1</sup>, 白日高歩<sup>1</sup>, A. Gazdar<sup>3</sup>

我々は、肺癌においてras遺伝子突然変異を検索し、非小細胞肺癌において変異は約30%に認められ、独立した予後不良因子であること、小細胞肺癌にはras変異は例外的であること等を報告してきた。ras p21の関与する信号伝達系において、rasGAP(GTPase activating protein)はGTPの結合した活性型ras p21を非活性型であるGDP結合型へと変換しras p21を負に制御している。また、GAP遺伝子の存在する染色体5q12-13領域は肺癌においてしばしば異常が認められる。そこで、我々はGAP遺伝子が特にras突然変異をもたない肺癌において癌抑制遺伝子として働いている可能性について検討した。53例の肺癌細胞株(非小細胞肺癌33、小細胞肺癌23)を用いてSouthern blottingにより遺伝子再配列をSSCP法(single strand conformation polymorphism)およびDGGE法(denaturing gradient gel electrophoresis)によってGAPのcatalytic domainの点突然変異を検索した。検索し得た範囲において、GAP遺伝子の異常は検出されず、肺癌の病理発生において突然変異によるGAP遺伝子の不活化は重要でないと考えられた。

**D-15 融光 in situ hybridization (FISH) 法によるヒト肺癌細胞の染色体異常の検出**

北海道大学医学部第1内科<sup>1</sup>, 同 第2外科<sup>2</sup>  
 ○加藤政和<sup>1</sup>, 宮本 宏<sup>1</sup>, 秋江研志<sup>1</sup>, 木下一郎<sup>1</sup>, 藤野通弘<sup>1</sup>, 石黒昭彦<sup>1</sup>, 秋田弘俊<sup>1</sup>, 岡安健至<sup>2</sup>, 川上義和<sup>1</sup>

【目的】ヒト染色体特異的プローブを用い肺癌細胞に対してFISHを行ない、細胞間期における染色体数異常の検出を試みた。【方法】手術または剖検で得た肺癌組織を細切、細胞を単離し、酢酸メタノールにて固定しスライドグラス上に展開した。70% フォルムアミドで変性後、染色体特異的DNAプローブ(3, 7, 17, X, Y)にて、一昼夜ハイブリダイゼーションし、FITC-avidinによって蛍光を付け、蛍光顕微鏡で核1個当たりのスポット数を数えた。【結果と考察】対照である成人男性白血球においては、3番、7番、17番染色体プローブに対するスポット数は2個、X、Y染色体プローブに対するスポット数は1個がそれぞれ約95%認められた。肺癌細胞ではどの染色体プローブに対しても、異数性を示し、3個、4個、5個と染色体数増加を示すものや、逆に、0個、1個と染色体数減少を示すものもあった。FISHを用いることにより肺癌細胞の細胞間期において、染色体異常を検出することが可能であった。しかし、症例あるいはプローブによっては、非特異的反応のためスポットが判別できない例や、まったくスポットが検出できない例があるなど技術的問題もあり、今後の改善を要する。

**D-14 肺癌におけるnm 23 発現の検討**

長崎市立市民病院内科<sup>1</sup>, 長崎大学第二内科<sup>2</sup>, 同腫瘍医学<sup>3</sup>  
 ○木下明敏<sup>1</sup>, 中野正心<sup>1</sup>, 広瀬清人<sup>2</sup>, 早田 宏<sup>2</sup>, 岡三喜男<sup>2</sup>, 原 耕平<sup>2</sup>, 珠玖 洋<sup>3</sup>

【目的】nm 23遺伝子は最近発見された遺伝子で、乳癌を中心に研究され、リンパ節転移や予後との関連が報告されてきている。今回我々は、肺癌の切除標本を用いてnm 23 mRNA発現について臨床的な検討を行った。

【対象】手術にて切除された新鮮標本が得られた肺癌62症例を対象とした。内訳は、男性44例、女性18例で、組織型分類では、腺癌39例、扁平上皮癌18例、大細胞癌2例、小細胞癌1例、カルチノイド1例、癌肉腫1例である。

【方法】肺癌組織よりRNAを抽出し、nm 23 mRNAの発現をNorthern blot hybridizationにて解析した。また、一部の肺癌症例については原発巣およびリンパ節転移巣のパラフィンブロックから免疫組織染色も行った。nm 23 mRNA発現量と、性、腫瘍組織型、分化度、腫瘍のサイズ、pTNM因子、CEAとの相関について統計学的検討を行った。

【結果】nm 23 mRNA発現量は、腫瘍のサイズ、pT因子と相関したが、性、腫瘍組織型、pN、pM因子とは、相関はなかった。また免疫染色とも、関連性は認められなかった。

【結語】肺癌においては、nm 23 mRNAの発見は、リンパ節転移よりも腫瘍量に関連すると考えられた。

**D-16 ヒト肺腺癌細胞株(OZ-1)および胚細胞腫細胞株(OZ-3)の樹立とMMP(matrix metalloprotease)産生能に関する検討**

防衛医大生化学第一<sup>1</sup>, 同 第2外科<sup>2</sup>  
 ○尾関雄一<sup>1</sup>, 高木啓吾<sup>2</sup>, 間宮群二<sup>1</sup>, 尾形利郎<sup>2</sup>

悪性腫瘍の浸潤、転移機構にMMPが重要な役割を果たしていることが知られている。今回、我々は肺腺癌および綿隔胚細胞腫症例の手術材料から細胞株を樹立し、そのMMP産生能とTNF $\alpha$ 、IL-1 $\alpha$ 刺激がMMP活性におよぼす影響についてzymogramを用いて検討した。また、これらのサイトカインが浸潤能に及ぼす影響についてBoyden Chamberを用いたin vitro invasion assayにより検討した。

## 結果：

1. OZ-1にMMP-2, 3, 9の産生を、また、OZ-3にMMP-2, 9の産生を認めた。
2. TNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$  (10ng/ml, 24hr)刺激によりOZ-1, 3のMMP-2およびMMP-9活性の上昇が認められた。
3. OZ-1にはTIMP(tissue inhibitor of metalloprotease)の産生は認められず、また、これらのサイトカインによる刺激でもその産生は誘導されなかった。
4. in vitro invasion assayでは、OZ-1, 3はTNF $\alpha$ , IL-1 $\alpha$ 刺激により浸潤能が著しく亢進した。

結語：悪性腫瘍細胞のMMP産生とサイトカインによる産生の制御が悪性腫瘍の浸潤、転移機構に深く関わっている可能性が示唆された。